# Масс-спектрометрия и хромато-масс-спектрометрия высокого разрешения

Нефёдов Андрей Алексеевич, лаборатория физических методов исследования НИОХ СО РАН

# Краткая характеристика информации, получаемой в методах масс-спектрометрии и хромато-массспектрометрии

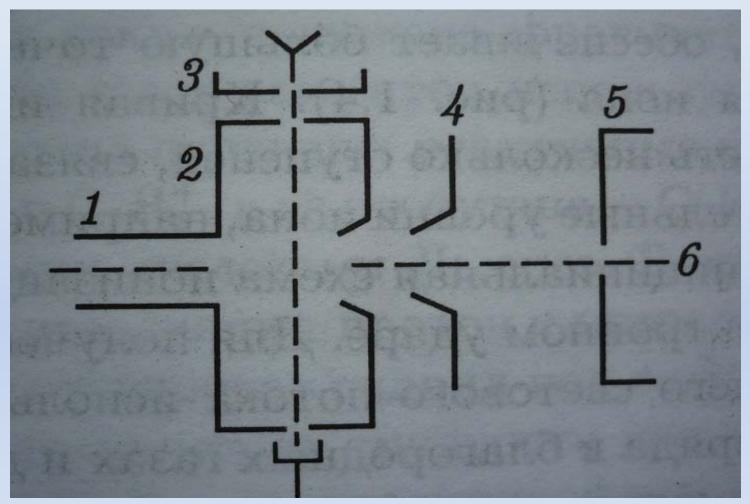
- 1. Прямое измерение массового числа молекулы вещества, т.е. ее молекулярной массы, в случае, если вещество в условиях масс-спектрометрического эксперимента дает молекулярный ион заряженную частицу, имеющую ту же массу, до величин массы около 1500 а.е.м.
- 2. При использовании масс-спектрометрии высокого разрешения возможно получения очень точного значения молекулярной массы, что позволяет по известным табличным данным получить брутто-формулу вещества, до величины массы несколько больше 1000 а.е.м.
- 3. Получение масс-спектра вещества, что позволяет провести его идентификацию по библиотекам масс-спектральных данных (около 500 000 соединений в НИОХ СО РАН) или по характеру фрагментации предположить строение соединения.

# Краткая характеристика информации, получаемой в методах масс-спектрометрии и хромато-массспектрометрии

- 4. Разделение аналитического сигнала образцов во времени в хромато-масс-спектрометрии возникает дополнительный аналитический сигнал время удержания образца, т.е. как долго вещество проходит через хроматографическую колонку. Как правило, это время при одних и тех же условиях эксперимента является уникальной характеристикой вещества, позволяющей разделить даже смеси изомеров, при использовании специальных хроматографических хиральных колонок даже оптические изомеры, и получить масс-спектры каждого соединения в смеси.
- 5. Площадь хроматографического пика пропорциональна содержанию вещества в анализируемом образце, что позволяет, при соблюдении ряда условий, проводить точный количественный анализ образцов.
- 6. Получать данные о ряде термодинамических процессов (испарение, сублимация), исследовать кинетические закономерности, механизмы протекания процессов термораспада.

# КРАТКИЕ СВЕДЕНИЯ О МАСС-СПЕКТРОМЕТРИИ

#### Принципиальная схема ионного источника



1 – напускной канал, 2 – ионизационная камера, 3 – электронная пушка, 4 – вытягивающая линза, 5 – фокусирующая линза, 6 – ионный пучок

#### Движение иона в магнитном поле

Кинетическая энергия иона после выхода из ионизационной камеры:

$$\frac{mv^2}{2} = eV$$

Сила Лоренца:

$$F = evB$$

Центростремительная сила:

$$F = \frac{mv^2}{r}$$

Приравнивая:

$$\frac{mv^2}{r} = evB$$

Итог:

$$m/e = \frac{r^2B^2}{2V}$$

Принципиальная схема магнитного массспектрометра

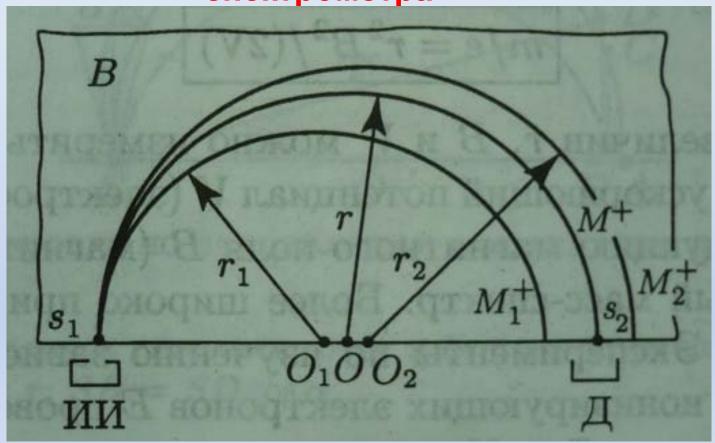


Схема масс-спектрометра: ИИ — ионный источник, Д — детектор ионов,  $S_1$  и  $S_2$  — входная и выходная щели, В — магнитное поле, перпендикулярное плоскости рисунка,  $O_1$ , O,  $O_2$  — центры и  $r_1$ , r,  $r_2$  — радиусы окружностей, по которым двигаются ионы  $M_1^+$ ,  $M^+$  и  $M_2^+$ .

### Принципиальная схема магнитного массспектрометра

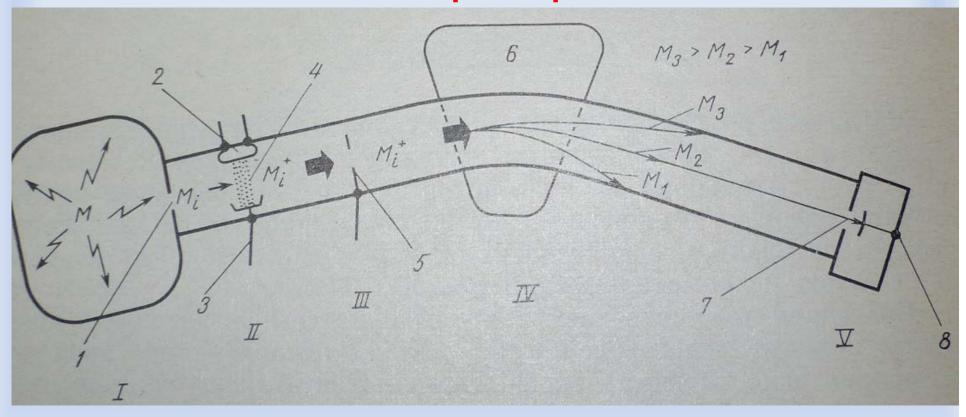
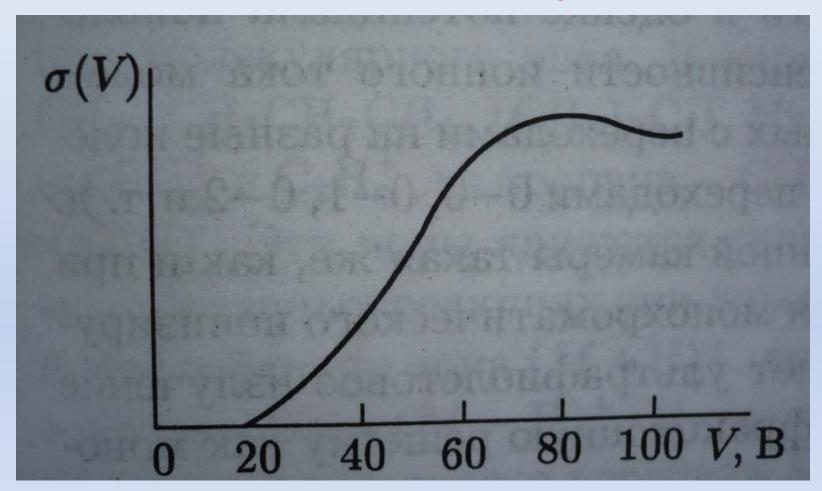


Схема магнитного масс-спектрометра с однократной фокусировкой: I — резервуар с образцом, II — зона ионизации, III — зона ускорения, IV — анализатор, V — детектор.

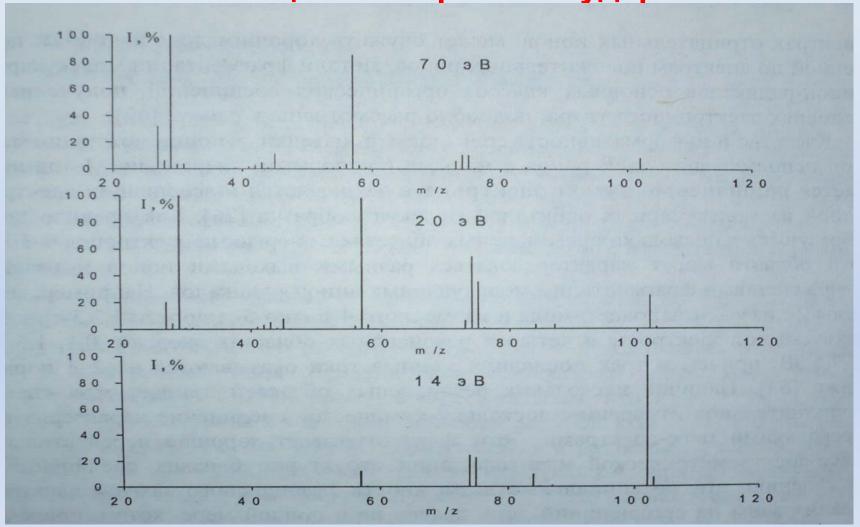
1 — натекатель; 2 — накаливаемый катод; 3 — анод; 4 — пучок ионизирующих электронов; 5 — электроды; 6 — магнит; 7 щель коллектора; 8 — электрический датчик

#### Ионизация электронным ударом



Зависимость эффективности ионизации от величины ускоряющего потенциала для ионизирующих электронов

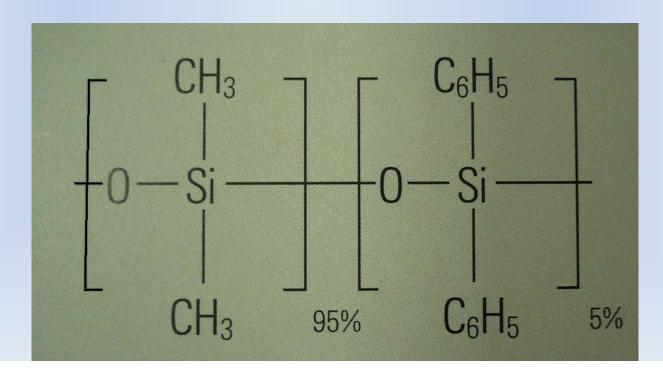
Ионизация электронным ударом



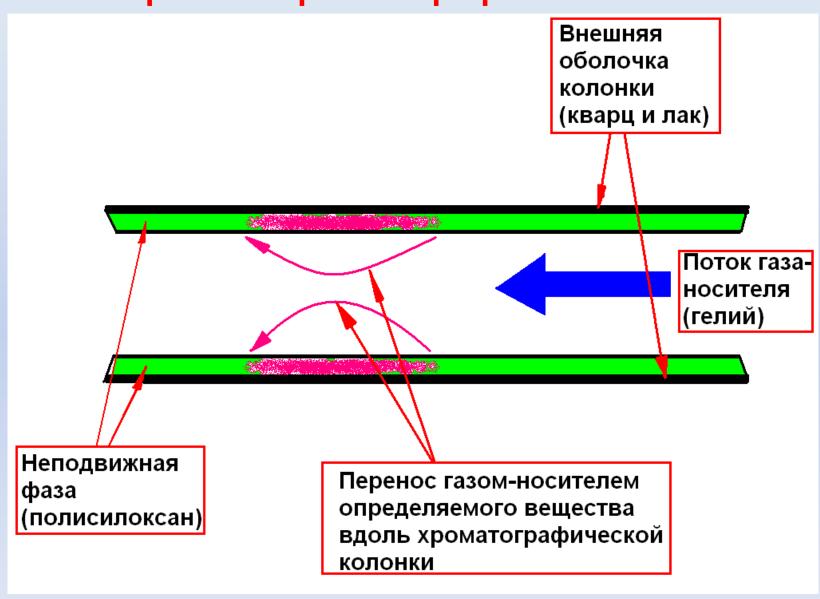
Масс-спектр электронного удара этилпропионата:  $CH_3$ - $CH_2$ -C(=O)-O- $CH_2$ - $CH_3$  (молекулярная масса 102) при энергиях ионизирующих электронов 70, 20 и 14 эВ

# КРАТКИЕ СВЕДЕНИЯ О ГАЗОВОЙ ХРОМАТОГРАФИИ

**Хроматография** — метод разделения веществ, основанный на разности распределения веществ между двумя фазами — подвижной (называемой еще элюентом) и неподвижной. В случае газовой хроматографии подвижной чаще всего средой является газ-носитель, в нашем случае — гелий, неподвижной фазой в нашем случае является нанесенное на внутреннюю поверхность кварцевой трубки-капилляра твердое вещество, в зависимости от решаемых задач имеющее ту или иную химическую природу. В нашем случае, хроматографической колонки *HP5-MS*, неподвижной фазой является (50%-фенил)-метилполисилоксан:



#### Схема работы хроматографической колонки



# **Характеристики вещества, получаемые в хроматографическом методе**

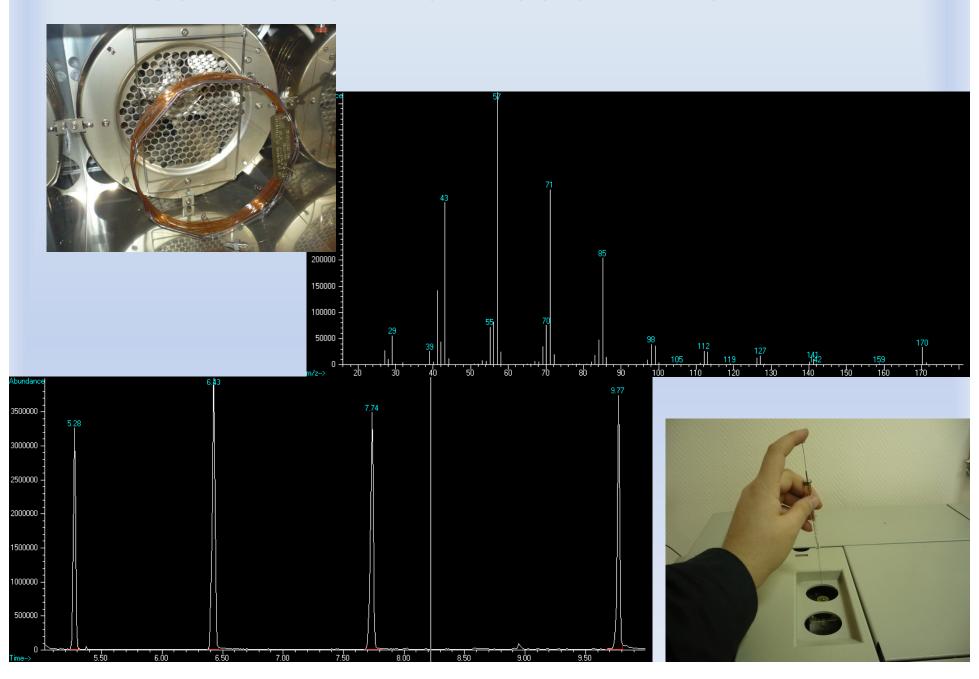
**Время удержания** (время выхода) — время, проходящее между моментом ввода анализируемой пробы в колонку, и моментом выхода вершины пика вещества из колонки.

**Объем удержания** — объем газа-носителя, который проходит по хроматографической колонке с момента ввода анализируемой пробы в колонку до момента выхода вершины пика вещества из колонки.

**Индекс удержания** — отношение времен удержания какого-то стандартного вещества (обычно для неполярных колонок какого-либо углеводорода известного строения) и определяемого вещества. Для одинаковых по химическому составу колонок является постоянной величиной.

**Площадь хроматографического пика** — параметр, характеризующий количество вещества в пробе.

#### ГАЗОВАЯ ХРОМАТО-МАСС-СПЕКТРОМЕТРИЯ



# Стыковка хроматографа и масс-спектрометра, ограничения, накладываемые при этом на метод анализа

Малые объемы пробы (1-10 мкл), малая (>1%) концентрация образца (обусловлено высокой чувствительностью методов газовой хроматографии и масс-спектрального анализа

Масс-анализатор с малым временем развертки масс-спектра

Создание соединения-интерфейса между масс-анализатором и хроматографом: прогреваемое, инертное к проходящим через него соединениям

Сохранение высокого вакуума в масс-анализаторе при стыковке с хроматографом

Решение: капиллярная хроматографическая колонка, малый расход газа носителя, применение газовых молекулярных сепараторов, квадрупольный масс-анализатор, анализ соединений по характеристическим ионам

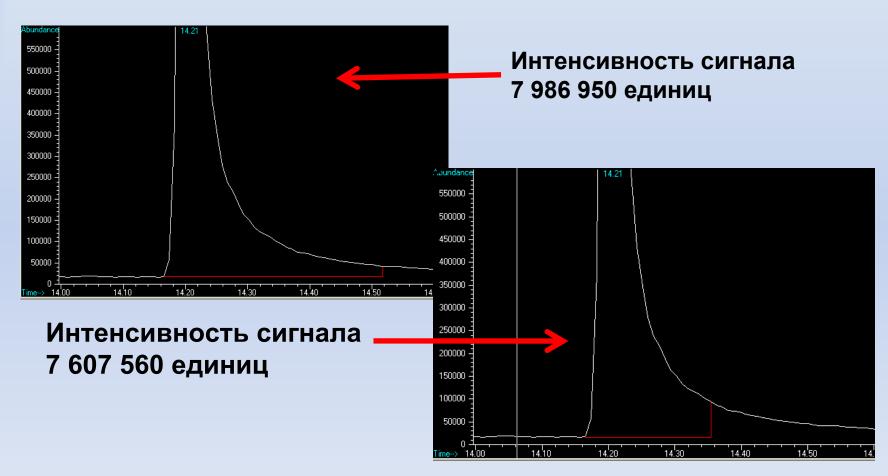
## Количественный хромато-массспектрометрический анализ

#### Факторы, от которых зависит площадь пика.

- 1. Количество частиц. Масс-спектрометрический сигнал пропорционален потоку частиц. Если мы имели концентрацию 1% по массе фенола (М=94 г/моль) и 1% урсоловой кислоты (М=470 г/моль), то их пики по площади будут отличаться.
- 2. Сечение ионизации. Любое вещество характеризуется своей уникальной величиной сечения ионизации, т.е. количеством ионов, образовавшихся из молекул в условиях эксперимента. При электронном ударе примерно одна из 10 000 молекул тонизируется. Это «примерно» зависит от структуры соединения и может изменяться в широком диапазоне. Это означает, что одинаковые навески двух разных веществ после ионизации приведут к возникновению разного количества ионов. Как следствие, площади пиков на хроматограмме, пропорциональные величине полного ионного тока, на масс-хроматограммах будут существенно различаться.
- 3. Дискриминация по массе. Оказывается, что анализатор масс любого типа пропускает ионы с разными значениями m/z по-разному. В результате 100 ионов с m/z 56 дадут пик с интенсивностью, отличной от пика 100 ионов с m/z 326. Если два соединения в смеси имеют существенно различающиеся молекулярные массы, то дискриминация по массе скажется и на интенсивностях хроматографических пиков по полному ионному току.

## Количественный хромато-массспектрометрический анализ

Субъективный фактор — ручное интегрирование площади хроматографического пика:



Разница - в 4,8%

## Количественный хромато-массспектрометрический анализ

#### Метод внешнего стандарта:

Для прибора, на котором производится анализ, готовится образец с заведомо известной концентрацией определяемого вещества. Для большей точности делается несколько разведений, записывают хроматограммы и получают калибровочную зависимость. Далее записывается проба с неизвестной концентрацией вещества и по величине площади хроматографического пика и калибровочной зависимости делается вывод о содержании в пробе вещества.

#### Метод внутреннего стандарта

Также, как и в случае метода внешнего стандарта, приготовляются калибровочные растворы определяемого вещества и записываются их хроматограммы. Затем к образцу, имеющему в своем составе определяемое вещество, добавляется определенная порция определяемого вещества. Зная сигнал, который должен быть дан концентрацией, созданной добавлением вещества, определяют количество образца в исходной пробе.

# ГАЗОВАЯ ХРОМАТО-МАСС-СПЕКТРОМЕТРИЯ НА ХРОМАТО-МАСС-СПЕКТРОМЕТРАХ Hewlett Packard G1800A Agilent 6890N

#### Требования к образцам:

#### Общие требования:

- 1. Через хроматограф не проходят соли, полимеры, смолы, вещества с большой молекулярной массой (от 650 и выше). Поэтому такие соединения следует подвергать модификациям или же не приносить на хромато-масс-спектрометрический анализ ничего разумного анализ показать не сможет.
- 2. Кислоты и их смеси желательно перевести в эфиры (желательно метиловые они есть в базах масс-спектроскопических данных). Амины можно ацилировать. Иначе хроматографические пики на колонках с неполярной фазой получаются слишком широкие, и могут «закрывать» пики других соединений в смеси.
- 3. Не стоит приносить смеси с осадками, но если это неизбежно, то следует указать природу осадка.

#### Требования к образцам:

#### Образцы в растворе:

- 1. Необходимо указать растворитель. При прочих равных лучше использовать более легкокипящий растворитель (метанол, хлороформ), т.к. в случае более высококипящего растворителя задержку включения масс-анализатора на проход фронта растворителя выставляют больше, до 8 мин. включительно, в результате чего все соединения, которые выходят до времени включения масс-анализатора, обычно остаются неопределенными.
- 2. Необходимо как можно точнее указать концентрацию основного компонента в смеси. Желательно иметь это содержание около 0,5% по массе.
- 3. Целесообразно проверить растворитель/растворители на наличие примесей.
- 4. В случае исследования результатов какого-то химического процесса целесообразно проверить на наличие примесей исходные вещества, особенно если в их чистоте имеются сомнения (вещества низкой квалификации по чистоте, с длительного хранения и т.д.).

#### Требования к образцам:

#### Жидкие и твердые образцы веществ в чистом виде:

- 1. Необходимо указать растворитель (растворители), в котором возможно провести растворение образцов, при этом целесообразно указать особенности растворения возможно, растворение происходит, но медленно, или растворение можно провести при нагревании и т.д.
- 2. Если образец представляет собой смесь веществ, желательно перечислить основные компоненты смеси и их примерное содержание.
- 3. Если для жидкого образца известна температура кипения, ее следует привести.
- 4. Указать, какие соединения могут оказаться в осадке при растворении в указанном заказчиком растворителе.

#### Требования к заявкам:

Заявка должна быть оформлена возможно более полно, чем больше информации о предполагаемом составе и характере пробы у оператора, тем больше информации

будет потом у заказ чижа ывать указывать на заявке фамилию, телефон, оператор

может разрешить часть

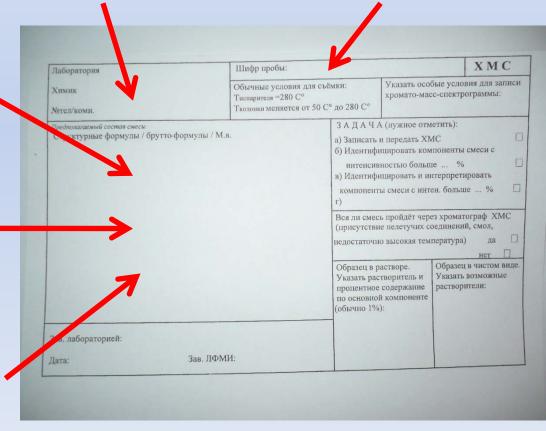
возникающих вопросов по телефону

Шифр пробы должен быть не более 8 символов, применяются латиница, цифры, знаки « » и «-»

Структурные формулы следует приводить четко, на их основе потом определяется возможный путь фрагментации соединения под электронным ударом.

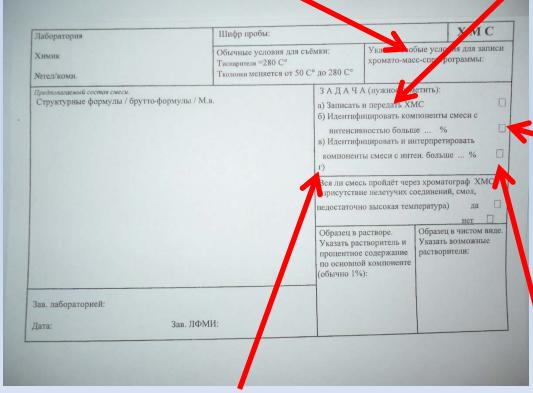
Не следует упускать возможность написать возможную брутто-формулу соединений, оператор может, конечно, по структурной формуле написать брутто-формулу, но это не является его основной работой.

Молекулярные массы целесообразно приводить с округлением в меньшую сторону до целых, если входят в соединение хлор или бром — то с учетом меньшего по массе изотопа (т.е. хлор — 35 а.е.м., бром — 79 а.е.м.).



#### Требования к заявкам:

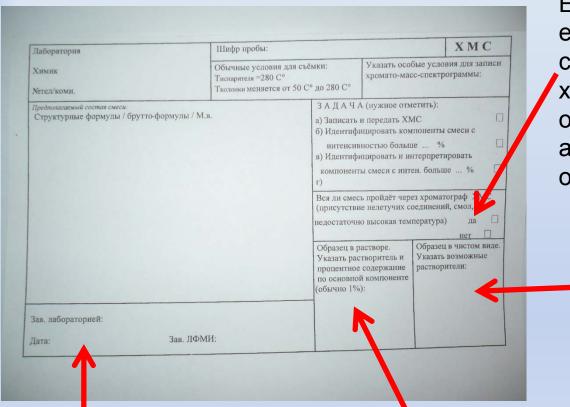
Указать особые условия для записи хроматомасс-спектрограммы - означает указать метод, которым произвести запись, требования к температуре источника и детектора, время, с которого проводить интегрирование пиков, их можно обсудить с оператором, чтобы понять, какой именно режим предпочтителен



**г)** - Особые требования к представлению результатов (обсудить с оператором)

- а) Записать и передать XMC означает передать файл, сгенерированный управляющим прибором компьютером при записи образца. Обработка его ведется уже химиком на своем компьютере при помощи специальной программы (Stand Alone Review Data)
- б) Идентифицировать компоненты смеси означает провести идентификацию путем сравнения масс-спектров соединений смеси с имеющимися базами масс-спектральных данных (около 500 тыс. соединений)
- в) Идентифицировать и интерпретировать компоненты смеси означает провести идентификацию по базам данных для всех пиков, для которых это возможно, а для которых невозможно предположить возможные структуры соединений на основе априорной информации и характера масс-спектра

#### Требования к заявкам:



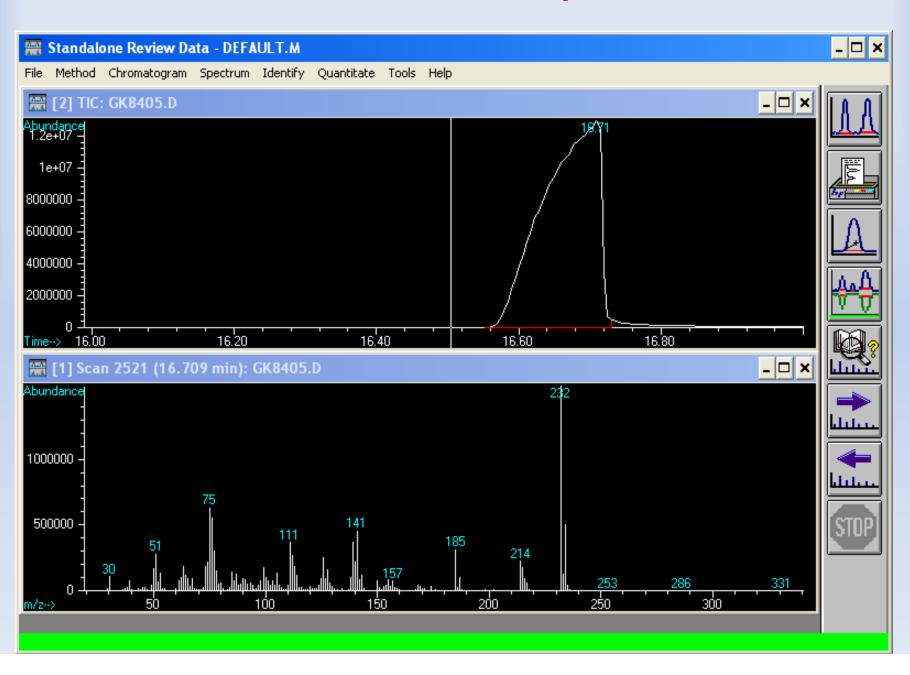
Если химик не уверен, что вся его смесь пройдет в стандартных условиях через хроматографическую колонку, он должен особо обговорить анализ данной пробы с оператором

Указать возможные растворители для образца, если образец в чистом виде

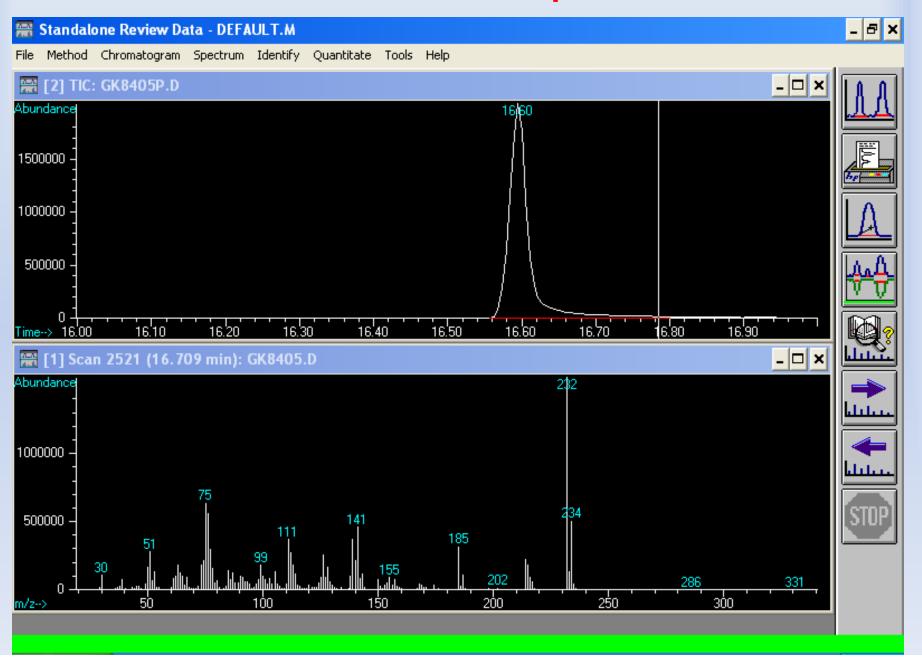
Указание даты позволяет в дальнейшем легко найти вашу заявку (при хранении заявки сортированы по дате)

Указать концентрацию по основному веществу в процентах, допустимо указать навеску вещества и объем/массу растворителя, израсходованного на создание пробы, при использовании легкокипящих растворителей на емкости с образцом целесообразно делать метку маркером, обозначающую уровень растворителя сразу после приготовления

#### «Зашкаленная» проба



#### «Зашкаленная» проба



## Возможности прибора Hewlett Packard G1800A



Газовый хромато-масс-спектрометр HP G1800A

#### Возможности прибора Hewlett Packard G1800A

#### Особенности:

- 1. Ручной ввод образца
- 2. Диапазон измеряемых масс от 10 до 650 а.е.м.
- 3. Программируемое изменение температуры хроматографической колонки от 50 до 300°C



- 4. Анализ жидких проб веществ в растворе
- 5. Анализ жидкостей индивидуальных веществ
- 6. Анализ чистоты растворителей
- 7. Анализ газовых проб





## Возможности прибора Agilent 6890N



Рис. Газовый хромато-масс-спектрометр Agilent 6890N

#### Возможности прибора Agilent 6890N Особенности

•

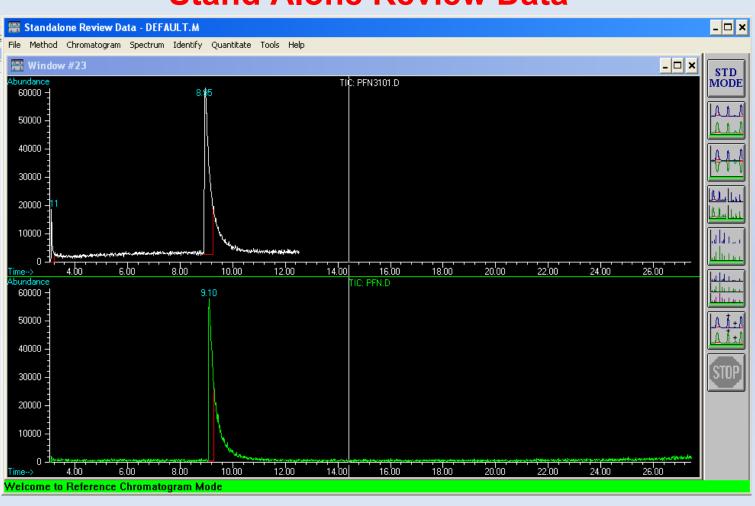
- 1. Автоматический ввод образца/серии образцов
- 2. Диапазон измеряемых масс от 10 до 850 а.е.м.
- 3. Программируемое изменение температуры хроматографической колонки от 50 до 280°C
- 4. Анализ жидких проб веществ в растворе
- 5. Возможность анализа легкокипящих образцов (температура кипения которых меньше либо больше температуры кипения растворителя)
- 6. Возможность подбора хроматографической колонки под узкоспециализированные задачи: анализ нефтепродуктов, лекарственных препаратов, разделение оптических изомеров и т.д.
- 7. Возможность подключения других модулей (в частности, термоаналитической приставки)



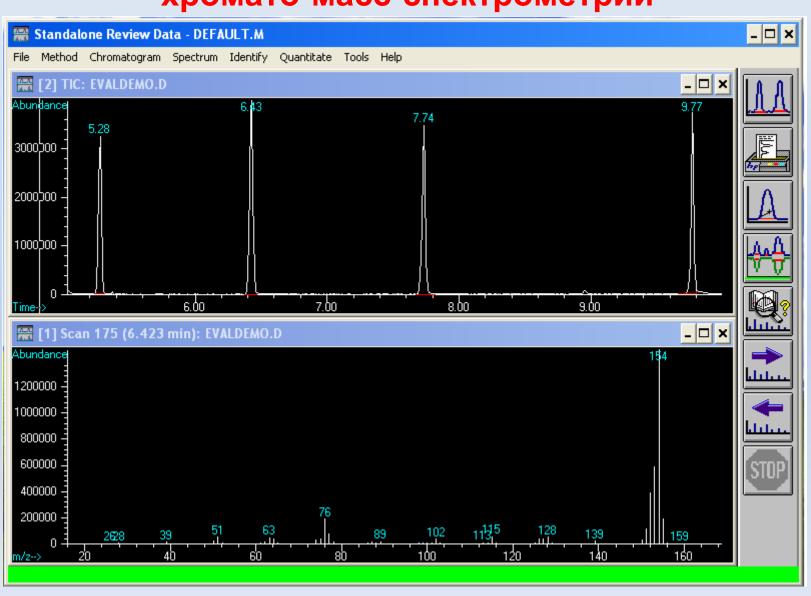
# ОБРАБОТКА ПОЛУЧЕННЫХ РЕЗУЛЬТАТОВ В ХРОМАТО-МАСС-СПЕКТРОМЕТРИИ

## Обработка данных хромато-масс-спектрометрии – программа

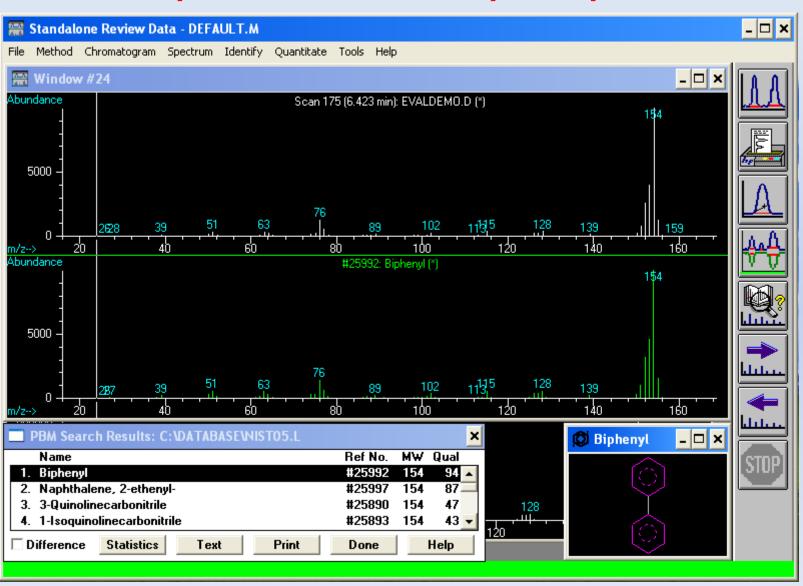
#### **Stand Alone Review Data**



## Обработка данных хромато-масс-спектрометрии



## Обработка данных хромато-масс-спектрометрии



### Библиотеки масс-спектральных данных

NIST 02, NIST 05 — библиотеки масс-спектральных данных, созданные и поддерживаемые Национальным институтом стандартизации и технологии США, около 300 000 масс-спектров.

WILEY — библиотека масс-спектральных данных, созданная профессором Мак-Лафферти, при участии Национального бюро стандартов США, около 450 000 масс-спектров, во многом пересекается с библиотеками NIST.

**Библиотеки**, созданные и поддерживаемые в НИОХ СО РАН, по природным соединениям, веществам, часто используемым в синтезах химиками НИОХ СО РАН, продуктам и полупродуктам синтезов – суммарно до 10 000 масс-спектров. Содержат, помимо самих масс-спектров, информацию о методе записи хроматограммы, из которой взят масс-спектр, время удержания или индекс удержания.

**Литературный поиск** при помощи РЖХ, каталогов CAS и Belstein – в редких случаях.



Программа
Stand Alone Review Data
доступна для установки на любой компьютер
НИОХ СО РАН под управлением операционных
систем Windows 95, 98, 2000, NT 4, XP

# МАСС-СПЕКТРОМЕТРИЯ ВЫСОКОГО РАЗРЕШЕНИЯ

# Масс-спектрометр высокого разрешения Thermo Electron DFS (Double Focusing System – Двойная система фокусировки)



Масс-спектрометр высокого разрешения с хроматографической приставкой Thermo Electron DFS

# Thermo Electron DFS – прибор с двойной фокусировкой ионного пучка:

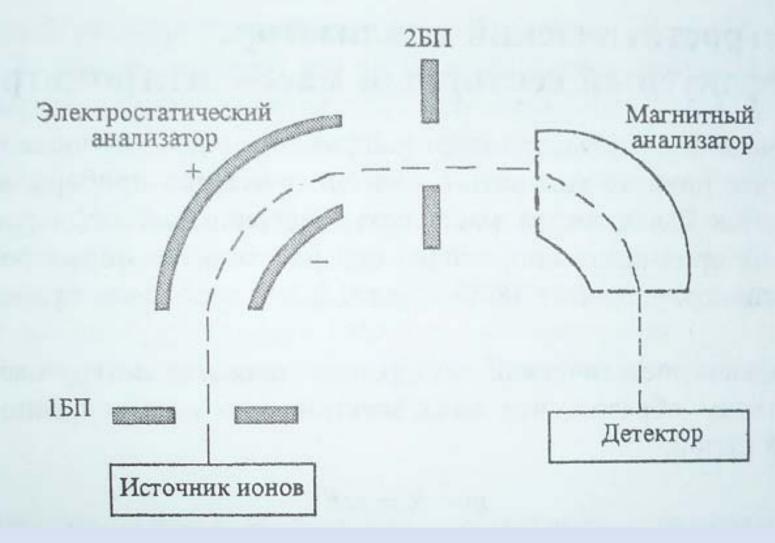
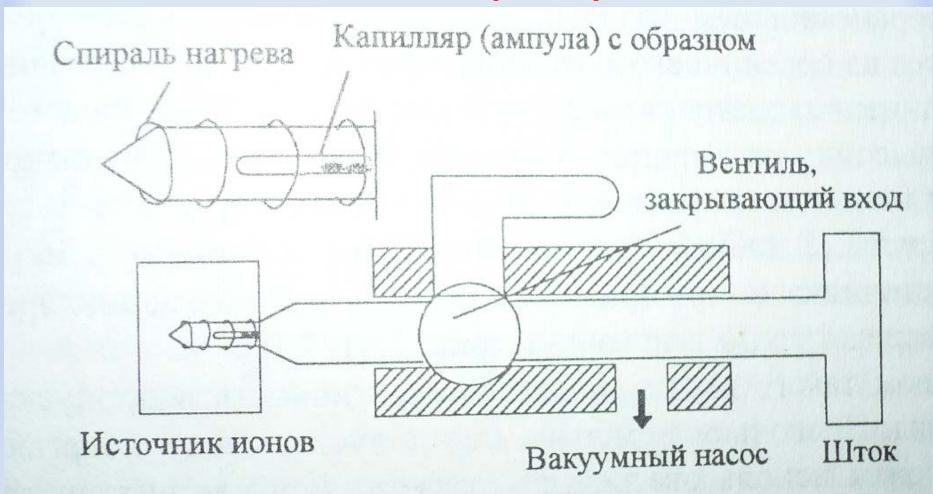


Схема масс-спектрометра с двойной фокусировкой

# Схема прямого ввода образца в масс-спектрометр:



### Особенности прибора Thermo Electron DFS

- 1. При использовании штока прямого ввода для химической ионизации возможен нагрев образца до температуры 1600 °C
- 2. При использовании штока прямого ввода возможен нагрев образца до температуры **360** °C
- 3. Диапазон измеряемых масс до 6 000 а.е.м.
- 4. Диапазон точно определяемых масс до 1 500 а.е.м. (зависит от наличия стандартов)
- 5. Ручной прямой ввод образца в масс-спектрометр
- 6. Хроматографический ввод образца в масс-спектрометр (ожидается ввод в эксплуатацию)
- 7. Ручной ввод образца в хроматограф, соединенный с масс-спектрометром
- 8. Возможность ионизации электронным ударом
- 9. Возможность химической ионизации (при установке дополнительных приспособлений)
- 10. Малые количества веществ, расходуемых при проведении анализа

Требования к заявкам:

_	елесообразно указать ектронный адрес,	Обязательно
	мимо комнаты и	указание, до какой
	пефона	температуры
,	Лаборатория Шифр пробы	образец химически  MC DFS СТАБИЛЕН  The mo Electron Corporation
	Химик       Задача : Запись МС Опре         № тел./комн       □	деление ММ Определение БФ
No.	Т кип/давл мм) Т возг/давл мм) Т стаб Тпл (10 мг за 5 мин)	Растворитель для кристаллических соединений Обязательно
Предполагаемая структурная формула		Результаты анализа: Расчетное_m/z.  Измеренное_m/z.  Температурный_режим.  УКАЗАНИЕ  растворителя, в  котором образец  хорошо растворим
-	Предполагаемая брутто-формула Предполагаемый М.в.	
	Зав. лабораторией	<sub>Заведующий ЛФМИ:</sub> Указать молекулярный
· .		вес или интервал, где
		следует искать молекулярный ион образца

### Требования к заявкам:

Запись МС – означает просто запись масс-спектра, например, для размещения его в статье или отчете, не определяется точная масса и брутто-формула

Определение брутто-формулы – на основании значения молекулярной массы и некоторой априорной информации возможно определить с той или иной ошибкой комбинацию атомов, имеющих такой же молекулярный вес

Лаборатория		Шифр пробы				MC DFS Thermo Electron Corporation			
Химик	За	Задача: Запи МС Определение ММ			e MM	I Опред сение БФ			
№ тел./комн	····		]						
Т кип/давл мм)	Т возг/даг	/давл мм) Т стаб				воритель для галлических соединений			
Тпл (10 мг		5 мин)			•				
Предполагаемая структурная формула					Результаты анализа				
					Расчетное_m/z				
					Измеренное_m/z				
					Температурный_режим				
Предполагаемая брутто-формула Предполагаемый М.в.									
Зав. лабораторией					Заведующий ЛФМИ:				
Дата									

Определение ММ – означает определение молекулярной массы с точностью обычно до четвертого знака после запятой

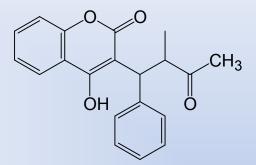
### Разрешающая способность масс-спектрометра

$$R = \frac{m}{\Delta m}$$

**Необходимые разрешающие способности для разделения** пиков, имеющих массу, близкую к 400 а.е.м.

Δm	R				
1	400				
0.5	800				
0.1	4 000				
0.05	8 000				
0.01	40 000				
0.007	60 000				

Увеличивая разрешающую способность, мы расплачиваемся за это ухудшением чувствительности

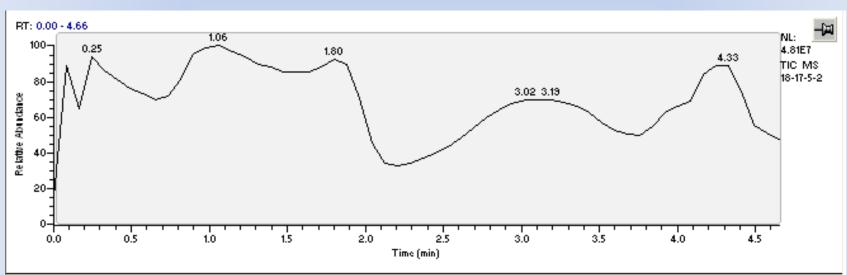


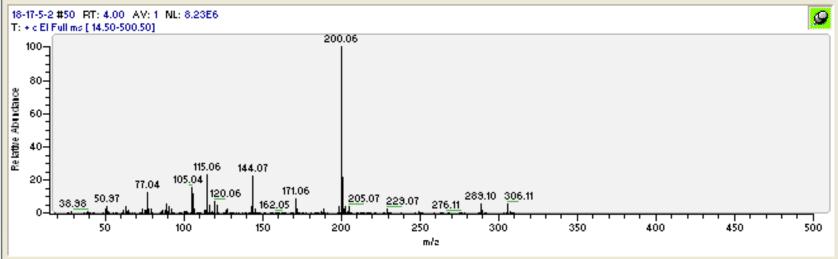
Предполагаемая брутто-формула: C<sub>19</sub>H<sub>16</sub>O<sub>5</sub> Предполагаемый молекулярный вес: 324.1

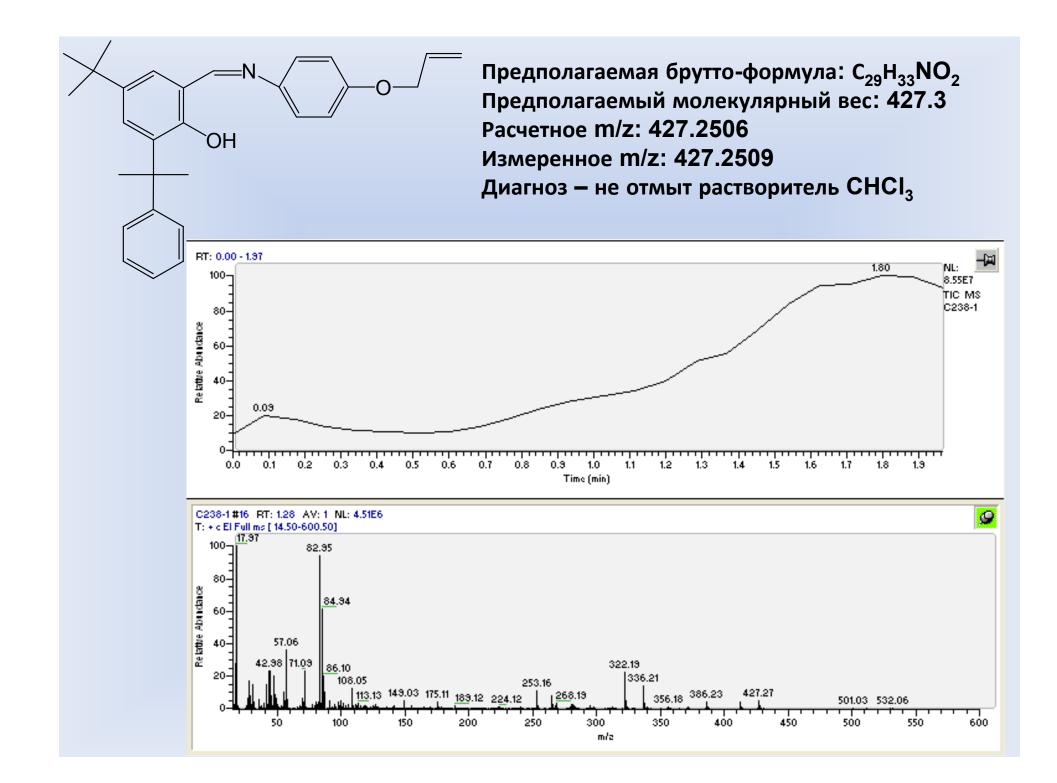
Расчетное m/z: 324.0992

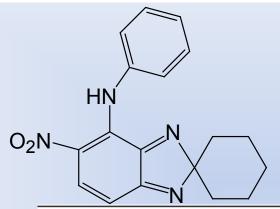
Измеренное m/z: 306.0886

Диагноз – отлетела вода, нет молекулярного иона









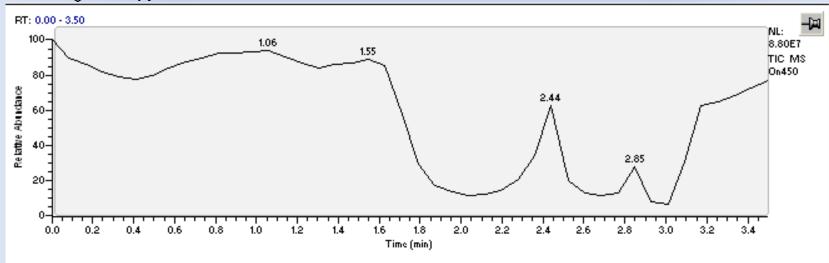
Предполагаемая брутто-формула:  $C_{18}H_{18}N_4O_2$ 

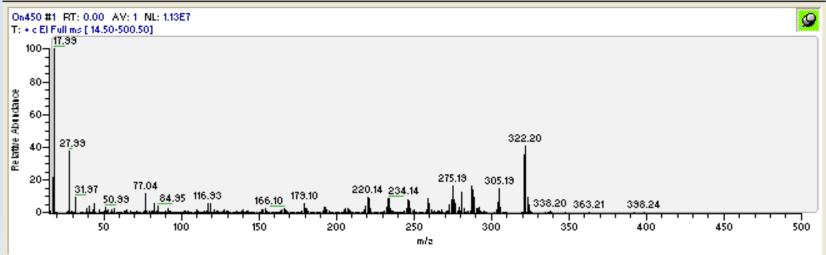
Предполагаемый молекулярный вес: 322.1

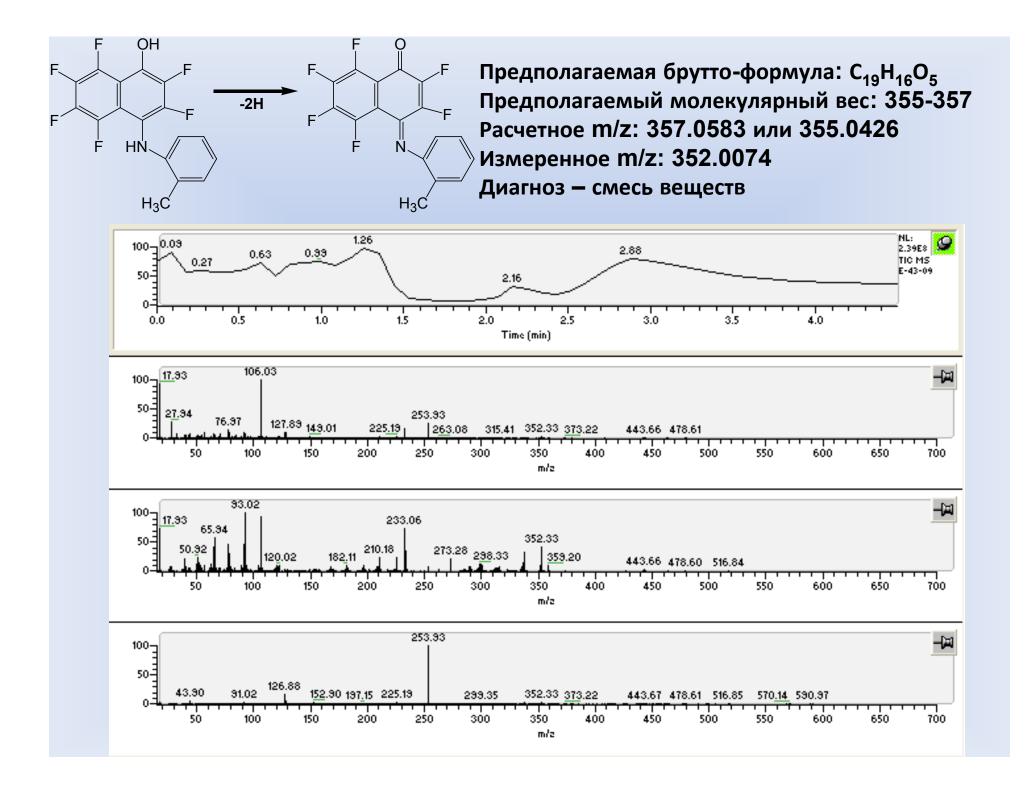
Расчетное m/z: 322.1424

Измеренное m/z: 321.1346

Диагноз – измеряли ион [М-Н]+







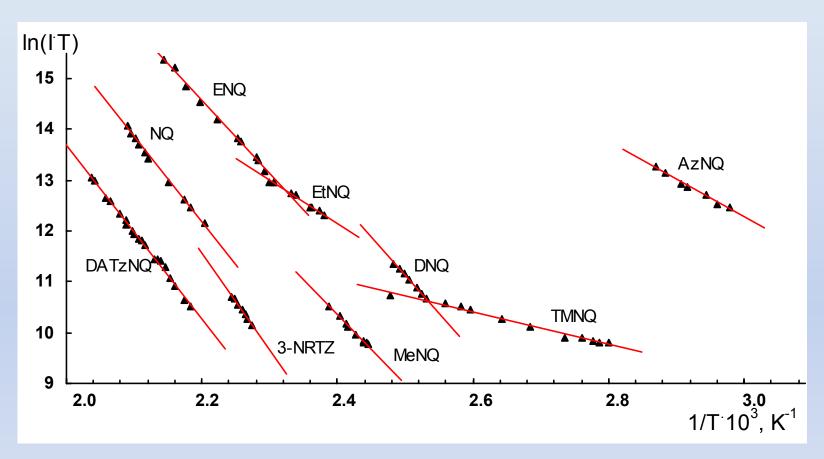
# Измерение теплот сублимации и испарения

# Уравнение Клапейрона-Клаузиуса

$$\frac{\Delta H}{R} = \frac{\partial \ln(I \cdot T)}{\partial (1/T)}$$

Использование масс-спектрометрии позволяет определить теплоты сублимации (испарения) летучих веществ. Для этого измеряли интенсивность пика молекулярного иона при различных температурах, результаты вносили в интегрированную форму уравнения Клапейрона-Клаузиуса, где: I — интенсивность сигнала молекулярного иона (в произвольных единицах измерения); Т — температура, К; R — универсальная газовая постоянная;  $\Delta H$  — теплота сублимации (испарения). Линеаризация этого уравнения в координатах  $\ln(I \cdot T)$  от 1/Т дает возможность по углу наклона прямой определить теплоту сублимации (испарения) вещества.

## Измерение теплот сублимации и испарения



**Температурные зависимости интенсивностей ионного тока молекулярных ионов нитриминов** 

# **DFS** вновь заработал!!!



### Перспективы развития метода газовой хроматомасс-спектрометрии в НИОХ СО РАН

- 1. Запуск в эксплуатацию газового хроматографа для массспектрометра высокого разрешения Thermo Electron DFS
- 2. Приобретение более узкоспециализированных хроматографических колонок для распространенных анализов (например, нефтепродуктов) при наличии достаточного числа задач под эти цели
- 3. Приобретение приставки для термического анализа (анализ термического разложения полимеров и других соединений)
- 4. Приобретение нового газового хромато-массспектрометра с более чувствительным масс-детектором, например, типа «Triple Q» (тройной квадруполь)
- 5. Проведение количественных анализов

### Литература

#### 1. Пентин Ю.А.,

Л.В. Вилков. Физические методы исследования в химии.

М.: Мир, ООО «Издательство АСТ», 2003. – 683 с.

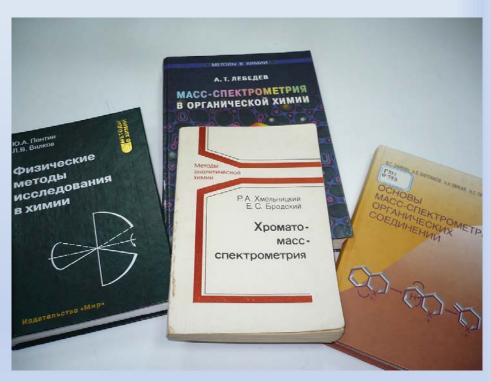
#### 2. Лебедев А.Т.

Масс-спектрометрия в органической химии. М.: БИНОМ. Лаборатория знаний, 2003. 493 с.

#### 3. Заикин В.Г.,

Варламов А.В., Микая А.И., Простаков Н.С. Основы масс-спектрометрии органических соединений. М.: МАИК «Наука/Интерпериодика», 2001. — 286 с.

**4. Хмельницкий Р.А.,** Бродский Е.С. Хромато-масс-спектрометрия (Методы Аналитической химии). М.: Химия, 1984. — 216 с.



# СПАСИБО ЗА ВНИМАНИЕ!

(можно задавать вопросы из зала)